Сравнительный анализ МАНК/ПЦР-РВ/Андрофлор и микробиологического статуса осадка эякулята у бесплодных мужчин с MAGI (n=529)

Table1. Comparative study of MANA /PCR-RT Androflor and Culture examination for semen sediment estimation status in infertile men who have MAGI (n=529)

Статус осадка экулята / Semen sediment stutus				МАНК/ПЦР-РВ -статус (Андрофлор) / MANA / PCR-RT Androflor, кол., ОБМ ≥ 10х3 ГЭ/мл (клинически значимый порог / clinically significant)																									
Микробиологический статус / Microbiological status, кол., ≥ 10х3 КОЕ/мл (клинически значимый порог / clinically significant)	Статус осадка экулята / Semen sediment stutus	Структура бактериального микробиома / The structure of the bacterial microbiome, (%)		Значимая бактериоспермия / Significant bacteriospermia, 402 (76%)																						Нормофлора / Normoflora, 127 (24%)			
				Преобладающие группы / Dominant groups, 115 (24,7%)																Отсутствие преобладающей группы / Absence of dominant groups, 287 (75,3%)						Преобладающие группы / Dominant groups, 24 (18,9%)			Отсутствие преобладающей группы / Absence of dominant groups, 103 (81,1%)
				ЭЭ, 21 (18,3%)	ОАУПМО, 6 (5,2%)								МКП, 16 (14%)			КАНД, 7 (6,3%)	ГОФАМО, 65 (56,2%)			Микробные ассоциации / Associations of microorganisms						ГПФАМО , 127 (100%)			
				Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp 21 (18,3%)	Gardnerella vaginalis	Atopobium cluster	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	Anaerococcus spp.	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	Eubacterium spp.	U. parvum	U. urealyticum	M. hominis	Candida spp.	Haemophilus spp.	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	E.coli	ОАУПМО+ЭЭ	ОАУПМО+ГОФАМО+ЭЭ	ОАУПМО+ЭЭ+КАНД	ОАУПМО+ГОФАМО+ЭЭ+КАНД	МКП+ОАУПМО+ГОФАМО+ЭЭ	МКП+ОАУПМО+ГОФАМО+ЭЭ+КАНД	Staphylococcus spp.	Streptococcus spp.	Corynebacterium spp.	Микробные ассоциации / Associations of microorganisms
					3 (50%)	2 (33,3%)	0 (0)	0 (0)	1 (16,7%)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	4 (25%)	3 (19%)	9 (56%)	7 (100%)	45 (69,2%)	20 (30,8%)	0 (0%)	67 (23,3%)	140(49%)	32 (11,1%)	25 (8,7%)	7 (2,4%)	16 (5,5%)	8 (6,3%)	3 (2,4%)	13 (10,2%)	103 (81,1%)
	Значимая бактериоспермия / Significant bacteriospermia, 237 (44,8%)	Преобладающие группы / Dominant groups, 80 (33,6%)	ЭЭ, 21 (26,3%)	Enterococcus faecalis, 16 (76,5%)	√																								
				Enterobacter cloacae, 5 (23,5%)																									
			ОАУПМО, 0 (0%)	Gardnerella vaginalis , 0 (0%)		ø																							
				Atopobium cluster , 0 (0%)			ø																						
				Megasphaera spp./Veillonella spp./Dialister spp., 0 (0%)				ø																					
				Sneathia spp./Leptotrichia spp./Fusobacterium spp., 0 (0%)					ø																				
				Bacteroides spp./Porphyromonas spp./Prevotella spp., 0 (0%)						ø																			
				Anaerococcus spp., 0 (0%)							ø																		
				Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp., 0 (0%)								ø																	
				Eubacterium spp., 0 (0%)									ø																
			МКП, 12 (15%)	U.parvum, 0 (0%)										ø															
				U. urealyticum, 3 (25%)											√														
				M. hominis ,9 (75%)												√													
			КАНД, 7 (8,8%)	Candida spp., 7 (100%)													√												
			ГОФАМО, 40 (50%)	Haemophilus spp., 0 (0%)														ø											
				Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp, 0 (0%).															ø										
				E.coli, 40 (100%)																ø									
		Отсутствие преобладающей группы / Absence of dominant groups, 157 (66,4%)	Микробные ассоциации / Associations of microorganisms, 157 (100%)																	ø									
	Нормофлора / Normoflora, 292 (55,2%)	Преобладающие группы / Dominant groups, 216 (74%)	ГПФАМО,216 (74%)	Staphylococcus epidermididis, 48 (22,2%)																						ø			
				Staphylococcus heamolyticus,95 (44%)																									
				Streptococcus group viridans, 47 (20,9%)																									
				Streptococcus oralis, 26 (12,9%)																									
		Отсутствие преобладающей группы / Absence of dominant groups, 76 (26%)	Микробные ассоциации / Associations of microorganisms, 76 (100%)																										ø